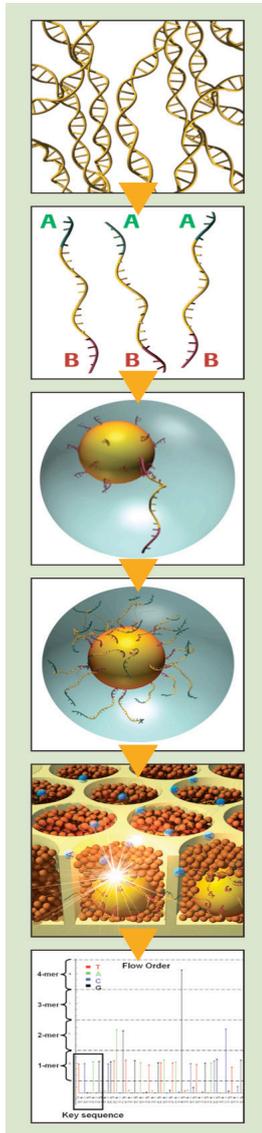


## Nouvelles méthodes de séquençage du génome

Mayuri Sadoine, Maxime Steisel, Laurène Viviani  
Service de chimie biologique



1. L'ADN est coupé en petits morceaux.

2. Un adaptateur est ajouté de chaque côté des fragments.

3. Chaque fragment est attaché à une bille (un fragment par bille).

4. On réalise une PCR par émulsion. Chaque bille contient un grand nombre de copies d'un fragment.

5. Chaque bille est mise dans un puits avec des billes de réactif contenant les enzymes qui permettent de visualiser l'addition d'un nucléotide.

6. On fait couler les nucléotides sur la plaque. On obtient un graphique par puits. La hauteur des bandes est proportionnelle au nombre de nucléotides insérés.



Un seul instrument permet de séquencer autant de nucléotides par heure que les laboratoires-usines utilisant la méthode de sanger, pour un prix 1000 fois moins élevé.

